

Séquence SEQ ID n° 1

1 ATTTGGGATATCTTAAATTAGCACAGAAGAACGTTAAATGAAATAAAGATAATAAAA
 61 GATATATTAAATTATAGCTGAAAATTATAATTATGATAAGTATACTTAATAAATAA
 121 AAAGTGTCTCGGGGGACACTTTTTGTTAAAAGGAAATATAAATAAAATTAGAT
 181 AAAAGTGTAAAAATAATTATTTTATTTAAATTGTTAAAATTTGATATAATTGAATTG
 241 TAAAAAAAAATTTCAGGGGGAAATATAAATGAAAAAAATTATTCAAAGTTACTGTAATT
 1 M K K I I S K F T V I
 301 TTTATGTTTCATGTTCTTATTGTTGGACCAATAAGTCCAATGAAAGCAAGTGCAAA
 12 F M F S C F L I V G A I S P M K A S A K
 361 GAAATCGACGCTTATAGAAAGGTAAAGGAGAATTATCTTAATGCTTTAAAAACTACGAT
 32 E I D A Y R K V M E N Y L N A L K N Y D
 421 ATTAATACAGTTGAAACATTTCAGAAGATGAAAGAGTAAATAATGTTGAACAGTATAGA
 52 I N T V V N I S E D E R V N N V E Q Y R
 481 GAAATGTTAGAAGATTTAAATATGATCCTAACCAACAACGAAATCTTTGAAATACTT
 72 E M L E D F K Y D P N Q Q L K S F E I L
 541 AATTACACAAAAGAGCGATAATAAGAAATATTAAATGTAACAAACTGAAATTTAAATGGT0
 92 N S Q K S D N K E I F N V K T E F L N G
 601 GCAATTATGATATGGAATTACTGTATCATCTAAAGATGGAAAATTAATAGTATCTGAT
 112 A I Y D M E F T V S S K D G K L I V S D
 661 ATGAAAGAACAAAAGTGAGAATGAAAGGAAAATATATTAAACACCATCATTAGAACT
 132 M E R T K V E N E G K Y I L T P S F R T
 721 CAAGTTGTACATGGGATGATGAACTAGCACAAGCAATTGGGGAGTTATCCACAAACA
 152 Q V C T W D E L A Q A I G G V Y P Q T
 781 TATTCTGATAGATTACATATTATGAGATAATATATTAAACTTCAGACAATATGCA
 172 Y S D R F T Y Y A D N I L L N F R Q Y A
 841 ACTTCAGGTTCAAGAGATTAAAAGTAGAATATAGTGTGAGATCATGGATGTGGAAA
 192 T S G S R D L K V E Y S V V D H W M W K
 901 GATGATGTTAAAGCTTCTCAAATGGTATATGGTCAAAATCCTGATTCTGCTAGACAAATA
 212 D D V K A S Q M V Y G Q N P D S A R Q I
 961 AGATTATATAGAAAAGGACAATCTTCTATAAATATAGAATAAGAATTAAAACCTT
 232 R L Y I E K G Q S F Y R K Y R I R I K N F
 1021 ACACCTGCATCAATTAGAGTATTGGTGAAGGGTATTGTGCATAGAAAAAAATATGAGT
 252 T P A S I R V F G E G Y C A * <-----
 1081 GACTTAGTCACCTCATATTTTTTACTATTAAATTATATAAAACCTAACATACA
 1141 TGAAAGTATTCTTAATACAGTTATCAAATTAAGTAGGGAAATAAAATAAAAGGCT
 1201 AAAAACTATATTAATAAAACTATAAAATTATTAATTAGGTTTAAGGTGTATATTATT
 1261 TATGATTATAGGAATAATATGCCAAATGGAATAAATAAGTAATATTAAATAATTGGTC
 1321 TAAAAAGTATACATCATTGATAAAAGAAAATTACCAAGTAAATTGAGCTTAAAAAATT
 1381 AAATGTAAATT 1392

P393 <-----

Séquence SEQ ID n° 2

1 ATTTGGGATATCTTAAATTAGCACAGAAGAATGTTAAATGAAATAAAGATAATAAAAA
-----> P385
61 GATATATTAATTATAGCTGAAAATTATAATTATGATAAGTATAGTTAATAAATAA
121 AAAGTGTCTCGGGGGACACTTTTTGTTAAAAAGGAAATATAAATAAATTTAGAT
181 AAAAGTGTAAAATAATTATTTTATTTAAATTGTTAAAATTTGATATAATTGAATTG
241 TAAAAAAAATTCAGGGGGAATATAAATGAAAAAAATTATTCAAAGTTACTGTAATT
1
301 TTTATGTTTCATGTTTCTTATTGTT

Séquence SEQ ID n° 3

10

F M F S C F D I V G A I S P M K A S A
M K K I I S K F T V I
GGAGCAATAAGTCCAATGAAAGCAAGTGCAAAA
GAAATCGACGCTTATAGAAAGGTAATGGAGAATTATCTTAAATGCTTAAAAAACTAC

15

Séquence SEQ ID n° 4

P318 : 5'-GAAATGTTACAACGTATTAAATATCGTAG-3'

20

Séquence SEQ ID n° 5

P292 : 5'-TCAAGTTGTACATGGGATGATG-3'

25